

بررسی قابلیت اتصال به کلسیم پپتیدهای زیست فعال حاصل از پروتئین دانه‌ی گوجه

نسیم مشگین فر^{۱*}، علیرضا صادقی ماهونک^۲، بهروز اکبری^۳، محمد قربانی^۴

فیدل تولدر^۵

^۱*دانشجوی دوره‌ی دکتری، گروه علوم و صنایع غذایی، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان

^۲دانشیار گروه علوم و صنایع غذایی، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان

^۳دانشیار گروه آنالیز شیمیایی مواد غذایی، آزمایشگاه‌های مرجع وزارت بهداشت

^۴استاد موسسه‌ی علوم غذایی (تکنولوژی و شیمی مواد غذایی)، مرکز تحقیقات ملی اسپانیا (CSIC)

(تاریخ دریافت: ۹۰/۱۰/۹۵ تاریخ پذیرش: ۹۰/۰۲/۲۰)

چکیده

پژوهش حاضر جهت بررسی قابلیت اتصال پروتئین آبکافت شده‌ی دانه‌ی گوجه با کلسیم انجام شد. آبکافت توسط آنزیم پیپسین (U₆₀₀) صورت گرفت. برای دستیابی به بهترین بازده تولید کمپلکس و محتوى کلسیم متغیر زمان آبکافت و نسبت آنزیم به سوپرسترا به ترتیب در محدوده ۱۸۰-۳۰٪ انتخاب شدند. نتایج به دست آمده توسط روش سطح پاسخ نشان داد که افزایش میزان آنزیم اثر معناداری بر افزایش قابلیت اتصال دقیقی و ۳-۱٪ انتخاب شدند. نتایج طیف نگاری مادون قرمز-تبديل فوریه و فلورسنس استفاده شد. نتایج طیف نگاری فلورسنس حاکی از افزایش هیدروفوبیستی سطحی نمونه‌ی پپتید-پروتئین هیدرولیز شده داشت ($p < 0.05$). جهت بررسی ساختار کمپلکس پپتید-کلسیم و مقایسه‌ی آن با پپتید عاری از کلسیم از طیف نگاری مرئی-فرابنفش، مادون قرمز-تبديل فوریه و فلورسنس استفاده شد. نتایج طیف نگاری فلورسنس حاکی از افزایش هیدروفوبیستی سطحی نمونه‌ی پپتید-کلسیم بود که این تجمعات آب گریز اثر مهمی در تشکیل اتصالات بینایینی و افزایش بازده تشکیل کمپلکس پپتید-کلسیم داشت. نتایج طیف نگاری مادون قرمز-تبديل فوریه نیز نشان داد که گروه عاملی کربوکسیلات و گروه هیدروکسیل قابلیت مهمی در اتصال به کلسیم را دارا می‌باشد. همچنین تغییرات نوارهای جذبی مرئی-فرابنفش در کمپلکس پپتید-کلسیم نسبت به پپتید عاری از کلسیم بیانگر تشکیل اتصالات جدید در زنجیره‌های پپتیدی بود.

کلید واژگان: پپتید زیست فعال، پروتئین دانه‌ی گوجه، قابلیت اتصال با کلسیم.

۱- مقدمه

کربوکسیلیک می‌باشد که پتانسیل بالای در شلاته کردن و ایجاد کمپلکس با کلسیم را دارد می‌باشد [۸].

تا کنون اثرات مثبت پپتیدها بر زیست فعال بر جذب بروز زیستی و درون زیستی مواد معدنی همانند کلسیم [۶] و آهن [۹] گزارش شده است. همچنین تحقیقاتی در رابطه با بررسی قابلیت اتصال به فلزمربوط به پپتیدهای حاصل از آبکافت پروتئین های گیاهی مانند، پروتئین جوانه ی گندم و پروتئین دانه ی سویا صورت گرفته است [۴ و ۱۰]. ارزیابی درصد بازده کمپلکس پپتید- کلسیم و میزان کلسیم جذب شده بیانگر کارایی بالای پپتیدهای زیست فعال در این رابطه می‌باشد.

در این پژوهش تلاش خواهد شد تا با استفاده از اثر آنزیم آبکافت کنندی پسین بر پروتئین دانه ی گوجه فرنگی که از ضایعات صنایع تولید رب به حساب می‌آید، پپتیدهایی با فعالیت مناسب باند شدن با کلسیم تولید و اثر شرایط آبکافت شامل زمان و نسبت آنزیم به سوبسترا بر فعالیت مذکور سنجیده شود.

۲- مواد و روش ها

۲-۱- مواد

دانه ی گوجه فرنگی حاصل از صنایع تولید رب با روش برش سرد از کارخانه ی رب دلندر خریداری گردید. آنزیم پسین (U₆₀₀) حاصل از مخاط معده خوک از کمپانی سیگما الدرج (آمریکا) خریداری شد. کلیه مواد شیمیایی مورد نیاز با خلوص بالا تهیه گردیدند.

۲-۲- روش ها

۲-۱-۲- استخراج پروتئین از دانه ی گوجه فرنگی

دانه ی گوجه فرنگی حاصل از فرآیند تهیه ی رب، از دیگر ضایعات گوجه فرنگی شامل پوست و مقادیر باقی مانده پالپ جدا خواهد شد و رطوبت آن تا حد ممکن کاهش می‌یابد. دانه‌های خشک شده پس از انتقال به آزمایشگاه به پودری یکنواخت تبدیل می‌گردند. پودر به دست آمده توسط هگزان به مدت زمان ۸ ساعت و در دمای اتاق بر طبق روش AOAC چربی گیری شد [۱۱].

استخراج پروتئین از دانه ی گوجه فرنگی بر اساس روش حلالیت قلیایی و ترسیب اسیدی به ترتیب در pH های ۱۱ و ۴، انجام شد [۱۲].

کلسیم یکی از عناصر معدنی مهم جهت برخی عملکردهای بیولوژیکی در بدن انسان می‌باشد که از آن جمله می‌توان به انقباض‌های ماهیچه ای، میتوزیز، انقاد خون و شرکت در ساختارهای اسکلتی بدن اشاره کرد. همچنین از نظر تغذیه ای جزء عناصر ضروری به حساب می‌آید [۱] جذب ناکافی کلسیم عوارض مشخصی از جمله کاهش دانسیته استخوانی را در پی داشته که متعاقباً منجر به نرمی و پوکی استخوان می‌گردد. در حال حاضر کلسیم آلی به عنوان جایگزینی برای کلسیم معدنی توصیه می‌گردد و این موضوع به دلیل سمیت های بیولوژیکی کلسیم معدنی در غاظت های بالا و دسترسی زیستی کم آن در غاظت های پائین مطرح شده است [۲].

یون های کلسیم می‌توانند با برخی از لیگاندهای آلی تشکیل کمپلکس بدهند. این لیگاندهای آلی به صورت کلی بایستی دارای نواحی اتصال ویژه در ساختار خود داشته باشند از جمله ای این نواحی ها می‌توان به گروههای پلی کربوکسیلیک اسید و یا پلی فسفریک اسید اشاره کرد. این کمپلکس باید در مقابل از هم پاشیدگی ساختاری و جدا شدن ماده‌ی معدنی در طی عبور از دستگاه گوارش مقاوم باشد [۳].

در این راستا پپتیدهای زیست فعال، به عنوان ترکیبات شناخته شده‌ای که در اثر هیدرولیز منابع پروتئینی به وجود می‌آیند مورد توجه قرار گرفته‌اند. این ترکیبات قابلیت ایجاد اثرات سلامتی بخش مهم به واسطه‌ی تعديل چندین مسیر فیزیولوژیکی را در داخل بدن دارند. نتایج تحقیقات مختلف نشان می‌دهد که گروه های آمینو، کربوکسیل، تیول و ایمیدازول آسیدهای آمینه‌ی زنجیره های پپتیدی از عوامل موثر در شلاته کردن کلسیم به حساب می‌آیند [۷-۴].

دانه ی گوجه فرنگی محصولی است که به عنوان پسماند صنایع تولید رب به حساب می‌آید و با وجود پروفایل غنی اسید چرب و پروتئین، در صنایع غذایی مورد استفاده قرار نمی‌کیرد. استفاده از پروتئین دانه ی گوجه فرنگی جهت آبکافت آنزیمی و تولید پپتیدهایی با فعالیت زیستی، روشنی مناسب و بهینه در راستای استفاده از این فرآوردهای جانبی و تولید محصولی با ارزش تغذیه ای و کاربردی بالا می‌باشد.

پروتئین دانه ی گوجه فرنگی حاوی مقادیر قابل توجه اسیدهای آمینه ی گلوتامیک و آسپارتیک با زنجیره‌ی جانبی

در این روش $1\text{ mg}/5\text{ ml}$ پروتئین آبکافت شده کمپلکس داده با کلسیم بود [۱۳].

۲-۵-۲-۲- بررسی ساختاری کمپلکس پپتید- کلسیم

۲-۵-۲-۱- تهیه کمپلکس

در این روش 20 ml میلی لیتر کمپلکس پپتید - کلسیم تهیه شده در مرحله‌ی قبلاً به همراه 5 ml میلی لیتر کلرید کلسیم 1% (وزنی/ حجمی) به شدت مخلوط و به مدت 2 ساعت در دمای 37°C درجه سانتیگراد در $\text{pH}:7$. تحت دور ثابت 100 rpm همزده شد. پس از این، اتانول به میزان اضافی به مخلوط فوق اضافه گردید و جهت جداسازی کلسیم آزاد از کمپلکس پپتید- کلسیم تحت نیروی گریز از مرکز با دور 8000 g به مدت 10 دقیقه قرار گرفت. رسوب حاصل در نهایت جهت تجزیه و تحلیل‌های بعدی توسط دستگاه فریزدرایر به پودر تبدیل شد [۴].

۲-۵-۲-۲- طیف نگاری مادون قرمز- تبدیل فوریه

بدین منظور 1 ml گرم از پودر نمونه‌ی تهیه شده به همراه 100 ml گرم پودر برمید پتابسیم مخلوط گردید و میزان جذب طیف مادون قرمز نمونه توسط دستگاه طیبیین مادون (PerkinElmer- RX-1, American) قرمز-تبدیل فوریه (cm^{-1} اندازه گیری شد. طول موج مورد استفاده 4000 تا 400 بود. سیگنال‌های به دست آمده توسط نرم افزار اسپکتروم تجزیه و تحلیل گردید.

۲-۵-۳- آب‌گریزی سطحی

نمونه‌ی پروتئین هیدرولیز شده‌ی عاری از کلسیم و پروتئین اولیه در غلظت‌های $1\text{ mg}/\text{ml}$ تا $0.03\text{ mg}/\text{ml}$ (محلول در بافر فسفات 0.01 Molar و $\text{pH}:7$) تحت واکنش با معروف آنیلینو نفتالان-۱- سولفونات (محلول در بافر فسفات 0.1 Molar و $\text{pH}:7$) قرار گرفت و سپس شدت نشر نور تابیده شده به نمونه جهت ارزیابی گروه‌های آب‌گریز سطحی توسط دستگاه طیف‌بینی فلورسنس (PerkinElmer-LS 45- American)، انجام شد. طول موج 295 nm به عنوان طول موج تهییج و دو طول موج 310 nm و 400 nm به عنوان طول موج های نشر انتخاب شدند [۱۴].

۲-۵-۴- طیف نگاری مرئی- فرابنفش

۲-۲-۲- تهیه‌ی پروتئین آبکافت شده

برای این منظور ماده‌ی اولیه‌ی پروتئینی آماده شده در مراحل قبل، جهت انجام فرآیند آبکافت توسط آنزیم پیپسین به طور دقیق در ارلن‌های حجمی توزین و توسط بافر با گرید خوارکی با $\text{pH}:3$ در نسبت مناسب در 180°C دقيقه با دمای مناسب آنزیم و محدوده زمانی 30 min تا 180 min دقيقه با دمای مناسب آنزیم و نسبت آنزیم به سوبسترای $1\text{ mg}/\text{ml}$ انجام شد. پس از فرآیند آبکافت غیر فعال کردن آنزیم از طریق اعمال حرارت 100°C درجه‌ی سانتیگراد به مدت 10 min دقيقه توسط حمام آب گرم صورت گرفت. پس از آن محلول آبکافت شده تحت نیروی گریز از مرکز با دور 3000 g به مدت 20 min دقيقه در دمای 4°C درجه‌ی سانتیگراد قرار گرفت و مایع رویی به عنوان ترکیب آبکافت شده‌ی پروتئینی جمع‌آوری و جهت انجام تحقیقات بعدی تحت فرآیند خشک شدن انجام‌دادی قرار گرفت.

۲-۳-۲-۲- ارزیابی بازده تولید کمپلکس پپتید- کلسیم

هر یک از تیمارهای پروتئین آبکافت شده‌ی دانه‌ی گوجه در mg/ml ($\text{pH}:7/8$) Tris-HCL بافر رسیدن به غلظت $20\text{ mg}/\text{ml}$ حل و به شدت بهم زده شدند. سپس محلول کلرید کلسیم (0.2 Molar) به نسبت 1 ml به 1 ml (حجمی/ حجمی) و به آهستگی به محلول پروتئین آبکافت شده اضافه و به مدت 2 ساعت در دمای 37°C درجه سانتیگراد نگهداری گردید، پس از آن اتانول به میزان اضافی به مخلوط حاصل اضافه گردید و در نهایت جهت جداسازی کمپلکس پپتید- کلسیم، مخلوط تحت نیروی گریز از مرکز با دور 8000 g قرار گرفت. بازده کمپلکس پپتید- کلسیم از رابطه‌ی 1 ml محاسبه گردید [۴].

Equation 1:

$$\frac{100}{\text{مقدار کمپلکس تشكيل شده}} \times \text{مقدار کمپلکس اضافه شده} + \text{محتوى پروتئين}$$

مقدار = بازده کمپلکس

پپتید- کلسیم(درصد)

۲-۴-۲- ارزیابی قابلیت اتصال به کلسیم

فعالیت اتصال به کلسیم بر اساس روش تیتراسیون اتیلن دی آمین تترا استیک اسید (EDTA) مدون در روش‌های استاندارد ملی ایران به شماره ۱۹۵۶۳ انجام شد. غلظت آزمونه

داری بر این متغیر پاسخ نداشت. نتایج برخی پژوهش‌های صورت گرفته در این رابطه مشابه با نتایج این پژوهش بود که بیانگر اثر غیر معنی‌دار زمان بر میزان بازده و محتوی کلسیم بود [۸]. فنگ و همکاران گزارش کردند که افزایش زمان اثر کاهنده یا افزاینده‌ی مستقیمی بر میزان جذب و اتصال یون کلسیم نداشت و اجزاء پروتئین آبکافت شده در اوایل زمان آبکافت و اواخر زمان آبکافت اثر قابل توجه تری در میزان پاسخ از خود نشان دادند که این موضوع در ارتباط با میزان درجه‌ی آبکافت و وزن مولکولی اجزاء پتیدی تولید شده می‌باشد [۴]. نتایج همچنین بیانگر وجود یک رابطه‌ی مستقیم بین افزایش میزان بازده کمپلکس پپتید-کلسیم و قابلیت جذب کلسیم می‌باشد. تجزیه‌ی واریانس در جدول ۲ نشان داد که رابطه‌ی بین میزان بازده کمپلکس (معادله‌ی ۲) و قابلیت اتصال با کلسیم (معادله‌ی ۳) با متغیرهای آبکافت از نوع درجه دو به ترتیب با ضریب تبیین ($R^2 = 0.78$) و 0.76 می‌باشد. شرایط بهینه‌ی پیش‌بینی شده توسط نرم افزار جهت دست یابی به بیشترین میزان بازده و قابلیت اتصال به کلسیم دمای $23/61$ درجه‌ی سانتیگراد و نسبت آنزیم به سویسترا $2/89$ درصد برآورد شد که به ترتیب حصول $41/94\%$ و $mg/g 21$ را پیش‌بینی کرد.

Table 1 Experimental design used in response surface methodology studies by using two independent variables

Run	Enzyme ratio (%)	Time (min)
1	30	1
2	180	1
3	30	3
4	180	3
5	30	2
6	180	2
7	105	1
8	105	3
9	105	2
10	105	2
11	10	2
12	105	2
13	105	2

پروتئین آبکافت شده با بهترین فعالیت باند شدن با کلسیم و کمپلکس پپتید-کلسیم، هر دو با ضریب رقت یکسان با بافر مناسب رقیق شدند. اسپکتروم در محدوده‌ی طول موج فرابنفش توسط دستگاه طیف بین مرئی-فرابنفش (T80+, PGI Instruments Ltd, England) nm با تفکیک پذیری $5/0$ گرفته شد [۱۵].

۳-۲- روشن آماری

جهت بهینه سازی شرایط آبکافت از نرم افزار آماری Minitab جهت اعمال طرح سطح پاسخ (RSM) استفاده شد. طرح آماری مورد نظر با طراحی مرکزی، تعداد فاکتور $2, 5$ نقطه‌ی مرکزی، بدون بلوک، $\alpha = 1$ ، انتخاب گردید. متغیرهای مستقل شامل: زمان آبکافت 30 تا 180 دقیقه و نسبت آنزیم به سویسترا 1 تا $3/3$ در نظر گرفته شد. اثر هر یک از متغیرهای مستقل بر بازده تولید کمپلکس پپتید-کلسیم و درصد کلسیم جذب شده بررسی گردید.

۳- نتایج و بحث

۳-۱-۱- ارزیابی بازده کمپلکس و قابلیت اتصال

پپتید-کلسیم

اثر شرایط آبکافت شامل زمان و درصد آنزیم مورد استفاده بر اساس روش سطح پاسخ بر میزان بازده (درصد) و قابلیت اتصال به کلسیم (mg/g) ارزیابی شد. جدول ۱ نشان دهنده‌ی تعداد و سطوح مورد آزمون می‌باشد که توسط روش سطح پاسخ با طراحی مرکزی انتخاب گردید. نمودارهای سطحی و کانتر مربوط به اثر زمان و نسبت آنزیم به سویسترا بر میزان بازده و قابلیت اتصال به کلسیم (شکل ۱) نشان می‌دهد که میزان بازده و محتوی کلسیم با ترکیب مناسب زمان آبکافت و درصد آنزیم در دمای مناسب فعالیت آنزیم (۳۷ درجه سانتیگراد) به ترتیب به بیشترین حد خود تا مقدار 50% و $mg/g 23$ افزایش یافت. اثر افزایش درصد آنزیم بر مقدار بازده کمپلکس پپتید-کلسیم معنی دار شد ($p < 0.05$) و این در حالی است که متغیر زمان اثر معنی

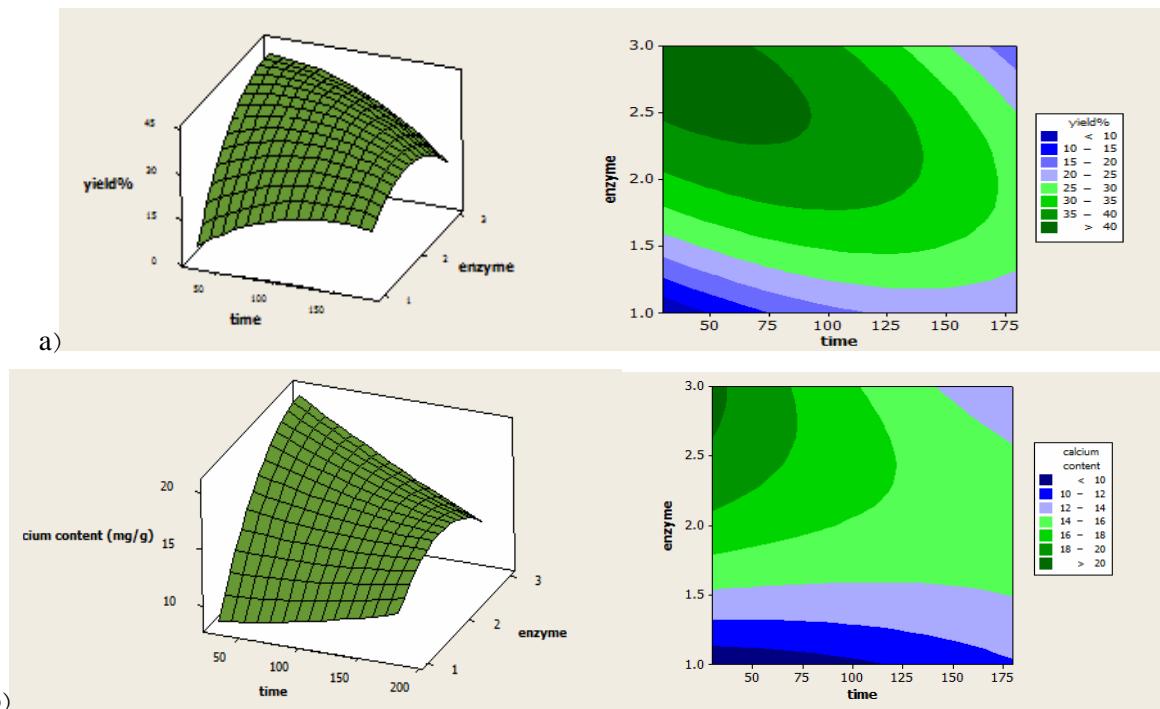


Fig 1 Response surfaces and contour plots for the effect of variables on Yield (%) as a function of different hydrolyzing conditions: time and enzyme ratio (a). Calcium content (mg/g) as a function of different hydrolyzing conditions: time and enzyme ratio (b).

Table 2 ANOVA table for response as affected by independent variables during optimization experiments

Calcium content (mg/ml)			Yield (%)	
	Regression coefficient	P value	Regression coefficient	P value
Time (X_1)	0.1138	0.230	0.4640	0.085
Enzyme ratio (X_2)	13.7784	0.02	64.0603	0.023
X_1^2	0.010	0.450	-0.0011	0.124
X_2^2	-1.3973	0.050	-10.4297	0.046
X_1X_2	-0.0573	0.034	-0.1350	0.0500
Lack of fit		0.724		0.161
R^2	0.78		0.76	

سطحی نمونه‌ی پیتید حاصل از آبکافت نسبت به پروتئین اصلی افزایش یافت که این بیانگر افزایش قرار گرفتن زنجیرهای آبگریز در سطح مولکول پروتئین آبکافت شده می‌باشد [۱۴]. بر این اساس پروتئین آبکافت شده‌ی تولیدی نسبت به پروتئین اولیه تعامل بیشتری به تشکیل واکنش‌های بین مولکولی و تجمع به واسطه‌ی حضور بیشتر گروههای آبگریز سطحی از خود نشان می‌دهد که با توجه به نتایج پژوهش‌های صورت گرفته در این رابطه، تجمع‌های آبگریز یکی از عوامل مهم و بحرانی در افزایش، قابلیت جذب کلسیم به حساب می‌آیند [۱۰].

$$\text{Equation 2: } Y = -60.16 + 0.4640X_1 + 64.0603X_2 - 0.0011X_1^2 - 10.4297X_2^2 - 0.1350X_1X_2$$

$$\text{Equation 3: } Y = -4.27 + 0.1138X_1 + 7784X_2 + 0.010X_1^2 - 1.3973X_2^2 - 0.0573X_1X_2$$

۲-۳- بوسے، ساختار کمیکس، بتند- کلسم

۱-۲-۳ آب گرینی سطحی

با توجه به شکل ۲ و بر اساس رابطه‌ی مستقیم شدت شبیب فلورسنس، یک مولکول با آبگزینی موثر آن [۱۴]، آبگزینی

اضافه شدن کلسیم به نمونه‌ی پپتیدی، تغییراتی در ارتعاشات کشیدگی‌های مربوط به گروه‌های عاملی $O-H$ و $C=O$ مشاهده شد که بیانگر درگیر شدن این گروه‌ها و تشکیل کمپلکس می‌باشد. در نمونه‌ی پپتیدی حاوی کلسیم، در فرکانس‌های پائین نوار جذبی مربوط به اتصال کلسیم با پپتید در ناحیه cm^{-1} ۵۲۳ ظاهر شد. نوارهای جذبی مربوط به گروه‌های کربوکسیلات COO^- و گروه هیدروکسیل مشاهده شده در پپتید عاری از کلسیم به ترتیب در فرکانس‌های ۱۶۵۳ و cm^{-1} ۳۴۹۸ ظاهر شدند که پس از جذب کلسیم به نواحی با فرکانس‌های پائین‌تر در ۱۵۳۱ و cm^{-1} ۳۴۲۰ منتقل گردیدند که می‌تواند نشان دهنده‌ی اتصال کلسیم با زنجیره‌ی پپتیدی به صورت $C-O-Ca$ باشد. همچنین نوارهای کششی گروه‌های $C-O$ اتری در فرکانس‌های ۱۲۵۷ و cm^{-1} ۱۳۱۹ پس از اتصال با کلسیم به فرکانس‌های پائین‌تر و پیک‌هایی با عمق بیشتر در ۹۹۷ و cm^{-1} ۱۰۹۸ منتقل گردیدند. این تغییرات در تحقیقات انجام شده توسط لیو و همکاران، ۲۰۱۳ و لیو و همکاران، ۲۰۱۶ مشاهده گردید [۴ و ۱۰].

این نوع تغییرات بیانگر این است که گروه‌های عاملی کربوکسیل و هیدروکسیل موجود در زنجیره‌ی پپتیدهای حاصل از آبکافت پروتئین دانه گوجه، مهم‌ترین جایگاه اتصال برای کلسیم می‌باشند.

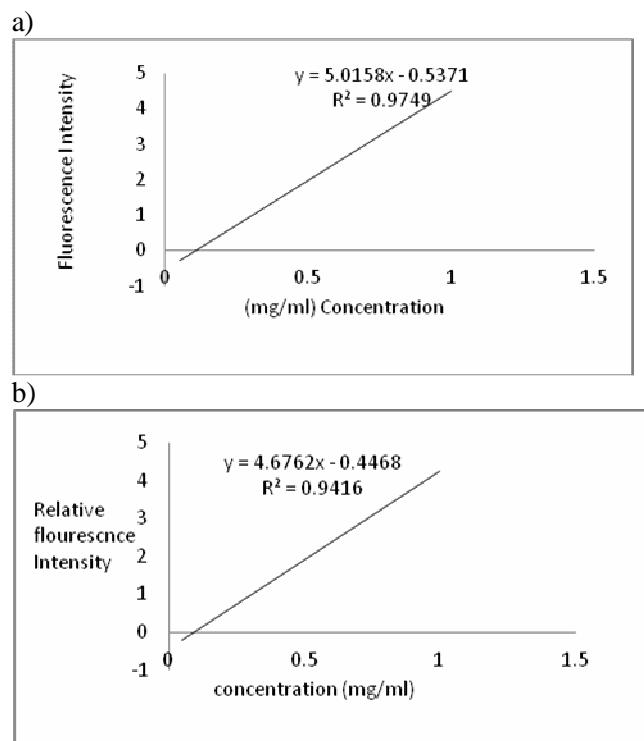


Fig 2 a) Fluorescence intensity vs. different hydrolysate protein concentration (mg/ml). b) Fluorescence intensity vs. different protein concentration(mg/ml).

۲-۲-۳- طیف نگاری مادون قرمز-تبديل فوريه

بررسی ساختار کمپلکس پپتید- کلسیم با استفاده از روش طیف سنجی مادون قرمز تبدیل فوریه انجام شد (شکل ۳). پس از

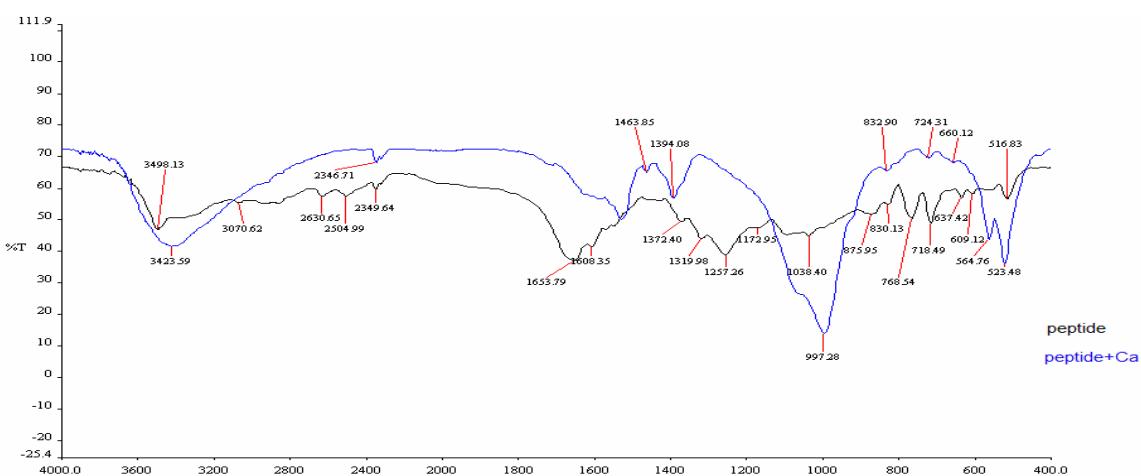


Fig 3 FTIR spectroscopy range in 400- 4000 cm^{-1} . hydrolysate protein from tomato seed binding calcium (blue line). Protein hydrolysate (black line).

پپتیدی باعث ظهور پیک‌های جذبی جدید و یا انتقال و حذف یکسری پیک‌ها در نمونه‌ی اولیه می‌گردد. [۱۶ و ۱۷].

طیف نگاری مرئی- فرابنفش در محدوده‌ی طول موج ۲۰۰ تا ۲۸۰ نانومتر برای نمونه‌های پپتید عاری از کلسیم و کمپلکس

۳-۲-۳- طیف نگاری مرئی- فرابنفش

طیف نگاری مادون قرمز و فرابنفش می‌تواند اطلاعات مفیدی در رابطه با اتصالات تشکیل شده و ساختمان کمپلکس پپتید- کلسیم فراهم می‌کند. در واقع اتصال یون‌های فلزی با زنجیره‌های

یک ترکیب جدید می‌باشد. نتایج تحقیقات صورت گرفته در این رابطه بیانگر کاهش شدت جذب کمپلکس پپتید-کلسیم نسبت پپتید عاری از کلسیم در ناحیه‌ی فرابنفش بود که نشان دهنده اتصال کلسیم به زنجیره‌ی پپتیدی بود [۱۶ و ۱۷].

پپتید-کلسیم انجام شد (شکل ۴). مقایسه‌ی نتایج نشان دهنده تغییرات و انتقالات صورت گرفته در گروه‌ها و نواحی جذب بین دو نمونه بود. حذف پیک در طول موج ۲۴۰ و همچنین کاهش شدت جذب در طول موج ۲۸۰ در کمپلکس پپتید-کلسیم نسبت به پپتید عاری از کلسیم بیانگر اتصال پپتید با یون کلسیم و تشکیل

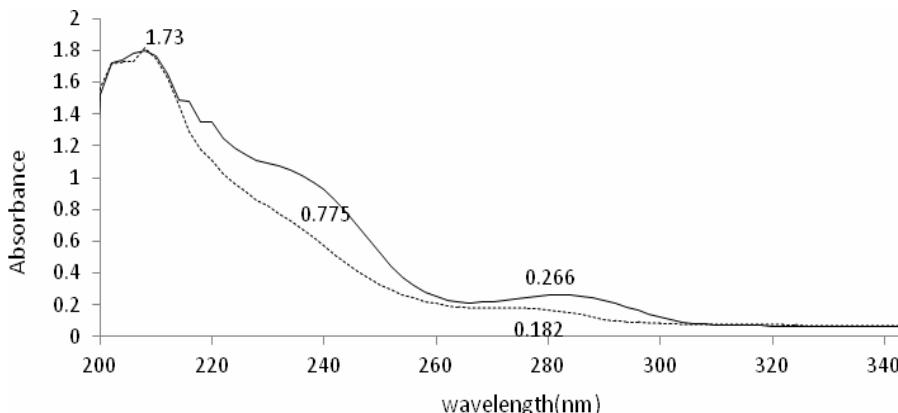


Fig 4 UV-VIS spectroscopy range in 200-340 nm. Hydrolysate protein (—). Hydrolysate protein binding calcium (.....)

- [2] Guéguen, L., and Pointillart, A. 2000. The bioavailability of dietary calcium. *Journal of the American College of Nutrition.* 19: 119–136.
- [3] Chen, H.T., Hsieh, K.C., Chang, J.K., Wang, G. J., Fu, Y. C., Ho, M.L., and Tzeng, C.C. 2012. Conformations of divergent peptides with mineral binding affinity. United States Patent.
- [4] Liu, F.R., Wang., Wang, R., and Chen, Z.X. 2013. Calcium-Binding Capacity of Wheat Germ Protein Hydrolysate and Characterization of Peptide-Calcium Complex. *Journal of Agriculture and Food Chemistry.* 61: 7537–7544.
- [5] Zhao, L., Huang, SH., Cai, X., Hong, J., and Wang, SH. 2014. A specific peptide with calcium chelating capacity isolated from whey protein hydrolysate, *Journal of Functional Foods.* 10: 46–53.
- [6] Choi, I., Jung, C., Choi, H., Kim, C., and Ha, H. 2005. Effectiveness of phosphovitin peptides on enhancing bioavailability of calcium and its accumulation in bones. *Food Chemistry.* 93: 650–662.
- [7] Jung, W. K., and Kim, S. K. 2007. Calcium-binding peptide derived from pepsinolytic hydrolysates of hoki (*Johniusbelengerii*) frame. *Food Preservation by Hurdle Technology.* 224: 763–767.

۴- نتیجه گیری کلی

قابلیت اتصال پروتئین آبکافت شده‌ی حاصل از پروتئین دانه گوجه به کلسیم در شرایط آزمایشگاهی توسط روش سطح پاسخ ارزیابی شد و بیشترین بازده تولید کمپلکس پپتید-کلسیم ۵۰٪ و محتوی کلسیم ۲۳ mg/g به دست آمد. بررسی ساختار کمپلکس پپتید-کلسیم توسط طیف بینی مادون قرمز-تبدیل فوریه نشان داد که یون کلسیم توسط اتصالات یونی به گروه‌های عاملی کربوکسیلات و هیدروکسیل موجود در زنجیره‌های پپتیدی تشکیل کمپلکس پپتید-کلسیم داده است. بررسی توسط طیف بینی مرئی-فرابنفش بیانگر وجود تغییراتی در زنجیره‌ی پپتیدی و کاهش میزان جذب طول موج های فرابنفش مربوط به کمپلکس پپتید-کلسیم در مقایسه با پپتید عاری از کلسیم بود. همچنین ارزیابی آبگریزی سطحی نشان داد که افزایش و تجمع گروه‌های هیدروفوب در سطح پروتئین آبکافت شده‌ی حاصل از پروتئین دانه گوجه می‌تواند یکی از عوامل مهم اتصال کلسیم باشد.

۵- منابع

- [1] Miller, G. D., Jarvis, J. K., and McBean, L. D. 2001. The importance of meeting calcium needs with foods. *Journal of the American College of Nutrition.* 20: 168–185.

- Isolation from Tomato Seed Meal, Extraction Optimization. *Journal of Food Science.* 3, 477.
- [13] ISIRI, determination of calcium by titration method. Number 19563. 1st.Edition.
- [14] Kato, A., and Nakai, SH. 1980. Hydrophobicity determined by a fluorescence probe method and its correlation with surface properties of protein. *Biochimica et Biophysica Acta.* 624:13-20.
- [15] Schmid, F. X. 2007. Biological Macro molecules: UV-visible Spectrophotometry. University of Bayreuth, Germany.
- [16] Nie, R., Liu, Y., and Liu, Z. 2014. The calcium-binding activity of fish scale protein hydrolysates, *Journal of Agricultural Chemistry and Environment.* 3: 11-15.
- [17] Silverstein, R. M., Bassler, G. C. and Morrill, T. C. 1981. Spectrometric identification of organic compound. 4th Edition, Wiley, New York, 100-180.
- [8] Miskoska-Milevska, E., Dimitrievska, B., Poru, K., and Popovski, Z. 2008. Differences in tomato seed protein profiles obtained by SDS-PAGE analysis. *Journal of Agricultural Sciences UDC:* 53: 582-926.
- [9] Lv, Y., Xiaolnbao, Q., Tang, W., Yang, B., and Guo. SH.2009. Identification and Characteristics of Iron-Chelating Peptides from Soybean Protein Hydrolysates Using IMAC-Fe3, *Journal of Agriculture and Food Chemistry.* 57: 4593–4597.
- [10] Liu, H., Lv, Y., Xu, J., and Guo, SH. 2016. Soybean peptide aggregates improved calcium binding capacity, LWT - Food Science and Technology. 67:174-180.
- [11] AOAC Method. 1990. Fat in foods, chloroform-methanol extraction. InOfficial methods of analysis (15th ed., pp. 101–111). Washington, DC, USA:Association of Official Analytical Chemists.
- [12] Liadakis, G. N., Tzia,C., Oreopoulou, V., and Thomopoulos, C. H. 1995. Protein

Investigation of calcium-binding ability of bioactive peptide from tomato seed protein

Meshginfar, N. ^{1*}, Sadeghi Mahoonak, A. R. ², Akbari, B. ³, Ghorbani, M. ², Toldra, F. ⁴

1. PhD student of food chemistry, Gorgan university of agriculture and natural resources.
2. Professor associate of food chemistry, Gorgan university of agriculture and natural resources.
3. Professor associate of food analysis, Reference Laboratory, the Ministry of Health.
4. Research Professor at the Instituto de Agroquimica y Tecnologia de Alimentos (CSIC)

(Received: 2016/05/29 Accepted:2016/05/09)

Present study was done to investigate the calcium binding ability of protein hydrolysate from tomato seed protein (TSPH). Enzymatic hydrolysis was done through pepsin (600 U). To achieve the maximum yield of TSPH-calcium complex and calcium content, hydrolysis time and enzyme/substrate ratio was obtained in range of 30-180 min and 1-3%, respectively. The result of response surface method showed increasing of the enzyme ratio had a significant effect on reaching the highest ability of calcium binding ($p<0.05$). The UV-VIS spectroscopy, fourier transform infrared spectroscopy (FTIR) and fluorescence spectroscopy was used to structure characterization of TSPH-calcium complex and comparison with structure of TSPH. The result of fluorescence spectroscopy demonstrated high surface hydrophobicity of TSPH-calcium complex that cause to form hydrophobic aggregation and hydrophobic interaction to bind calcium. The result of FTIR showed that carboxyl and hydroxyl group have an important role to calcium- binding capacity. Also changes in UV-VIS absorption bands in TSPH-calcium complex comparing to single peptide present formation of calcium- binding.

Keyword: Bioactive peptide, Tomato seed protein, Calcium binding ability

* Corresponding Author E-Mail Address: nasimmeshginfar@gmail.com